

CONTACT ET INFORMATIONS

21 Ans

07.50.57.38.61

evanlecau@gmail.com
evan.lecaudey@univ-rouen.fr

linkedin.com/in/evan-lecaudey

Permis B

Permis côtier

LANGUES

Anglais Certification CLES B2
Janvier 2025

TRAVAIL SAISONNIER

Agent portuaire durant 3 étés :
Transport de passagers,
relation client et manutention

- Autonomie
- Responsabilité
- Rigueur

CENTRES D'INTERÊTS

- Lecture scientifique
- Plongée
- Jeux de stratégie en équipe

EVAN LECAUDEY

CANDIDATURE POUR UNE ALTERNANCE DE MASTER 2 DE BIOINFORMATIQUE

Étudiant en Master de Bioinformatique, je souhaite intégrer votre structure pour continuer à mettre en pratique mes compétences en programmation, en gestion de workflows et en analyses statistiques appliquée à la biologie.

FORMATIONS ET DIPLÔMES

En cours — **MASTER MENTION BIOINFORMATIQUE**

Parcours: Bioinformatique Modélisation et Statistique

Université de Rouen Normandie

2025 — **LICENCE SCIENCES DE LA VIE**

Parcours: Biologie des Organismes et des Populations, Environnement

Université de Bretagne Occidentale - Brest

EXPÉRIENCES PROFESSIONNELLES

2026 — **STAGE EN LABORATOIRE - 4 MOIS**

UR ESCAPE et UMR DYNAMICURE - Rouen

- Big Data : Création d'un pipeline (Python, Rust, R, Bash) via API (GISAID, NCBI, ENA) pour la collecte, l'alignement et le contrôle qualité de milliers de génomes du virus de la Dengue
- Phylodynamique & Épidémiologie : Reconstructions phylogénétiques (Maximum de vraisemblance) et inférences bayésiennes (BEAST) sur cluster (Slurm/SSH) pour modéliser l'évolution du virus de la Dengue

2026 — **PIPELINE D'ASSEMBLAGE NGS ET TP MÉTAGENOMIQUE**

Université de Rouen Normandie

- Construction d'un pipeline automatisé avec pratiques FAIR sous Python pour traiter des fichiers FASTQ, contrôle qualité, alignement, détection et annotation de variants (FastQC, BWA, Samtools, ANNOVAR)
- Analyse métagénomique sous R de fichiers FASTQ 16S, génération d'ASV, assignation taxonomique et étude de la diversité du microbiome (DADA2, phyloseq)

COMPÉTENCES

- Programmation et analyse de données: Maîtrise des langages de programmation R, Python, Bash
- Maîtrise des outils : Nextflow, Galaxy, Snakemake, Git, PyCharm, Docker, BioEdit, Beauti & BEAST
- Biologie & Écologie marine : Écologie des populations, biologie moléculaire, technologies NGS
  Option : Fonctions biologiques et cycles vitaux des organismes marins